

Point cluster 1 octobre 2012

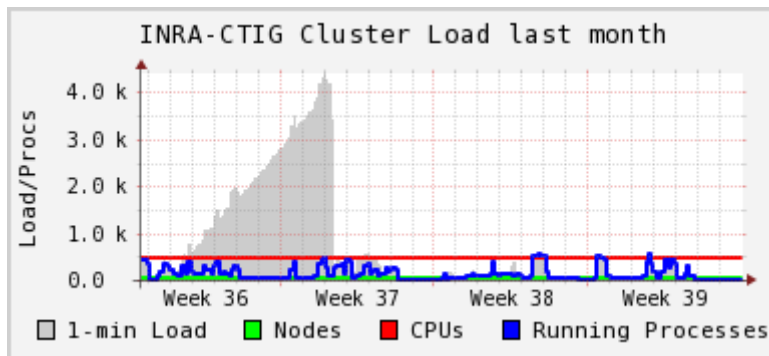
Modifications effectuées sur la configuration

Aucune modification depuis un mois.

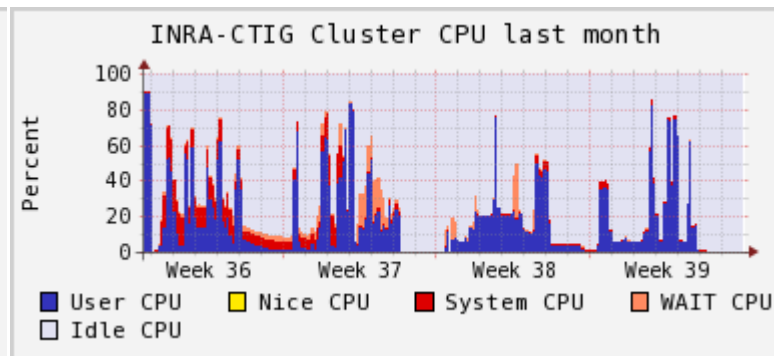
Projets déclarés au 1 octobre 2012 (en gras les nouveaux projets)

- SAM : Groupe de travail de la SAM
- GEMBAL : Evaluation génomique Multi-Races Bovins Allaitants et Laitiers. Responsable Vincent Ducrocq et Florence Phocas
- THESE_TTR : Simulations afin d'évaluer l'intérêt d'une évaluation génomique chez le porc
- CHICKSEQ : projet du département GA qui concerne l'analyse de données de séquençage de génomes complets de poulets de chair. Responsable : Sandrine Lagarrigue, Olivier Demeure
- Delisus : Projet de Marie Pierre Sanchez.
- Imputation : Projet CTIG, Responsable : Didier Boichard
- Cheval : Analyse des génotypages des projets chevaux, Responsable : Anne Ricard
- Canalisation : Etudes relatives à la modélisation génétique de la variabilité, Responsable : L. Bodin
- Genomcap : Génomique caprine (Rachel Rupp)**
- Optimisation : Thèse J.Jacquin, optimisation des méthodes statistiques d'analyse de la variabilité des caractères à l'aide d'informations génomiques**

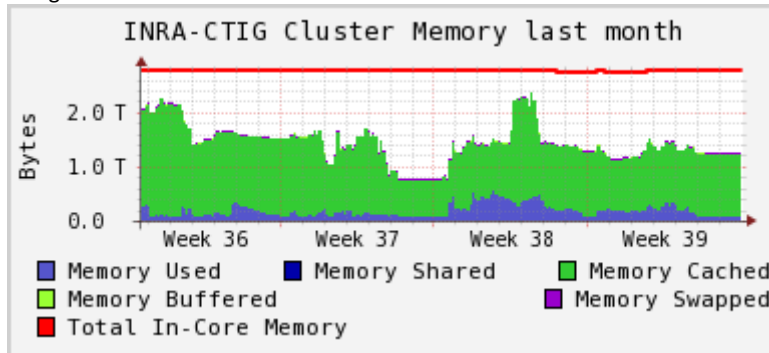
Utilisation du cluster septembre 2012



Charge du cluster



Utilisation des processeurs



Utilisation de la mémoire

On remarque que suite aux problèmes de performances et aux changements effectués sur l'organisation des espaces disques, les performances sont maintenant au rendez vous. Le load average est conforme à une utilisation performante des ressources disponibles (peu de Wait CPU, temps d'attente du CPU). Pas de différence notable de la consommation de mémoire ce mois-ci, l'utilisation de cette dernière est stable depuis plusieurs mois (pas d'augmentation/diminution).

Utilisateurs actifs

En moyenne il y a eu 14 utilisateurs connectés par jour et 10 utilisateurs différents ont soumis des jobs sur le cluster ce mois-ci. 28159 jobs ont été lancés depuis le 1er septembre, c'est une augmentation énorme du nombre de jobs depuis le mois dernier (environ 5000).