

# Point cluster 30 mai 2012

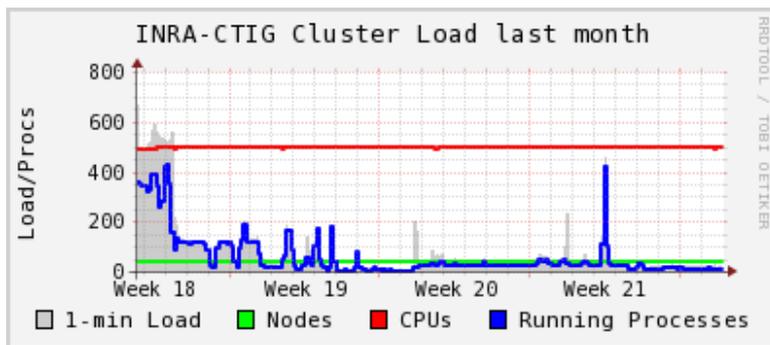
## Modifications effectuées sur la configuration

LDAP : L'annuaire Ldap mis en place par le CTIG dans le cadre de la migration Linux des chercheurs a été déployé sur le cluster. Les utilisateurs ayant déjà un compte Ldap peuvent se connecter avec leur compte Ldap, les autres peuvent continuer à se connecter comme ils l'ont fait jusqu'à présent.

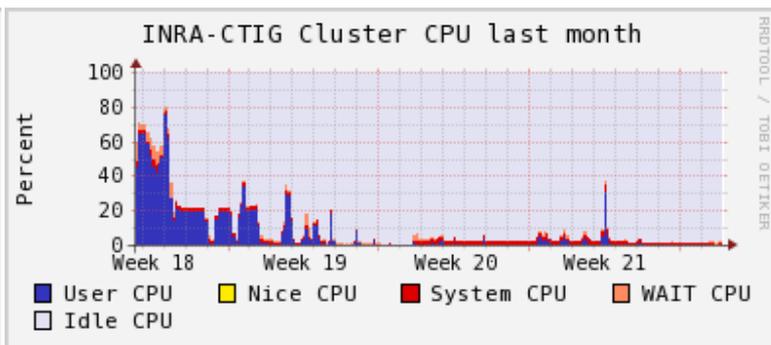
## Projets déclarés au 30 mai 2012 (en gras les nouveaux projets)

- SAM : Groupe de travail de la SAM
- GEMBAL : Evaluation génomique Multi-Races Bovins Allaitants et Laitiers. Responsable Vincent Ducrocq et Florence Phocas
- THESE\_TTR : Simulations afin d'évaluer l'intérêt d'une évaluation génomique chez le porc
- CHICKSEQ : projet du département GA qui concerne l'analyse de données de séquençage de génomes complets de poulets de chair. Responsable : Sandrine Lagarrigue, Olivier Demeure
- Delisus : Projet de Marie Pierre Sanchez.
- Imputation : Projet CTIG, Responsable : Didier Boichard
- Cheval** : Analyse des génotypages des projets chevaux, Responsable : Anne Ricard
- Canalisation** : Etudes relatives à la modélisation génétique de la variabilité, Responsable : L. Bodin

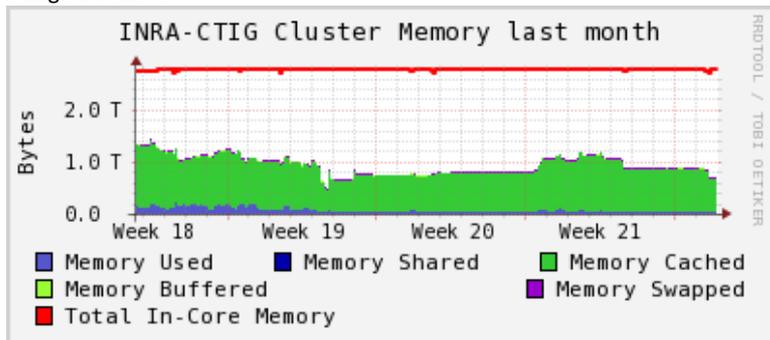
## Utilisation du cluster mai 2012



Charge du cluster



Utilisation des processeurs



Utilisation de la mémoire

On remarque que le cluster a été beaucoup utilisé en début de mois, très peu par la suite. La mémoire est toujours faiblement exploitée.

## Utilisateurs actifs

En moyenne il y a eu 12 utilisateurs connectés par jour et 13 utilisateurs différents ont soumis des jobs sur le cluster ce mois-ci. 3200 jobs ont été lancés depuis le 1er mai.

## Formation à l'utilisation du cluster

Deux journées de formation ont été données par Olivier Filangi et Pascal Croiseau. Elles ont été suivies le 25 avril à Jouy par 18 collègues et le 11 mai à Toulouse par une vingtaine de collègues. Une nouvelle session sera donnée à Jouy mi-juillet et probablement une session en septembre à Rennes. L'objectif de la formation est de connaître l'organisation du cluster, savoir lancer puis suivre le déroulement des traitements, des TP sont proposés.