

Point cluster 3 juillet 2012

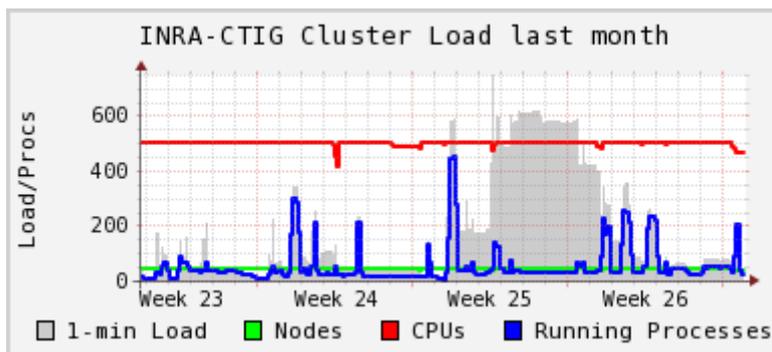
Modifications effectuées sur la configuration

Organisation espace disque : Afin de coller à l'organisation des espaces disques de dga12 et pour remédier aux problèmes de performances liés à NFS, il a été créé un filesystem de travail nommé /travail, exporté en pNFS sur tous les nœuds depuis la baie NAS la plus performante. Cette espace de travail unique et accessible à tous les utilisateurs (2 Téra) va à terme remplacer tous les répertoires /work projet de la station d'accueil.

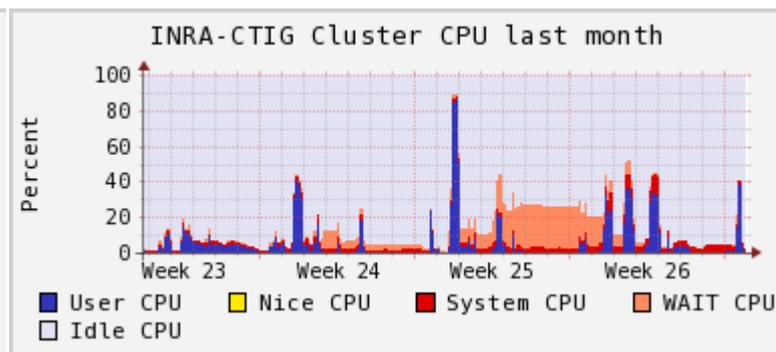
Projets déclarés au 3 juillet 2012 (en gras les nouveaux projets)

- SAM : Groupe de travail de la SAM
- GEMBAL : Evaluation génomique Multi-Races Bovins Allaitants et Laitiers. Responsable Vincent Ducrocq et Florence Phocas
- THESE_TTR : Simulations afin d'évaluer l'intérêt d'une évaluation génomique chez le porc
- CHICKSEQ : projet du département GA qui concerne l'analyse de données de séquençage de génomes complets de poulets de chair. Responsable : Sandrine Lagarrigue, Olivier Demeure
- Delisus : Projet de Marie Pierre Sanchez.
- Imputation : Projet CTIG, Responsable : Didier Boichard
- Cheval : Analyse des génotypages des projets chevaux, Responsable : Anne Ricard
- Canalisation : Etudes relatives à la modélisation génétique de la variabilité, Responsable : L. Bodin

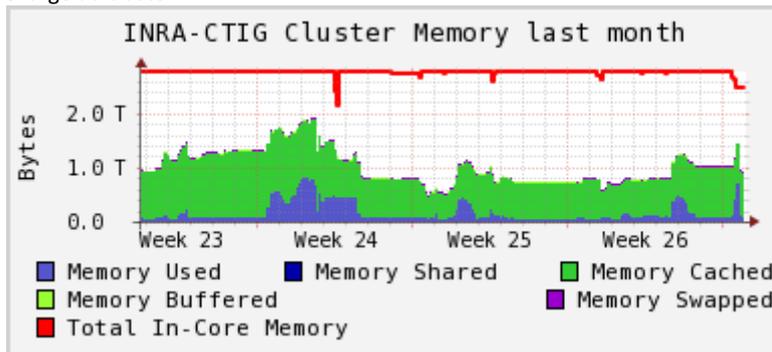
Utilisation du cluster juin 2012



Charge du cluster



Utilisation des processeurs



Utilisation de la mémoire

On remarque que le cluster est fortement utilisé dans des périodes données, mais en dehors de ces périodes il est quasiment inutilisé. La mémoire est toujours faiblement exploitée.

Utilisateurs actifs

En moyenne il y a eu 12 utilisateurs connectés par jour et 13 utilisateurs différents ont soumis des jobs sur le cluster ce mois ci. 3273 jobs ont été lancés depuis le 1er juin (73 jobs de plus que le mois dernier).