

Statistical and genomic tools for mapping QTL and genes (WCGALP 2010)

27 exposés
Une dizaine de thèmes

| | |
|---------------|--|
| GWAS | Meuwissen, Ziegler, Weller |
| Sel. Génom. | Harris, Gredler |
| Epistasie | Schoen, Zimmer, Wittenburg, Ek, Nettleblad |
| Anal. Assoc. | Ekine, Sahana, Maxa |
| Méta Anal. | Rückert, Guldbrandsten |
| QTL courbes | Hadjipavlou, Suchoki |
| Phasage | Favier, Ding, Habier, Hickey, Vereijken |
| Multitrait | Sorensen, Janss |
| Informativité | Mayer |
| Expression | Edwards, Wimmers |

| | |
|-----------|---|
| Allemagne | 8 |
| Danemark | 5 |
| Suède | 2 |
| UK | 2 |
| Pays Bas | 1 |
| Pologne | 1 |
| Autriche | 1 |
| Norvège | 1 |
| Israël | 1 |
| USA | 1 |
| Chine | 1 |
| Australie | 1 |
| NZ | 1 |
| France | 1 |

| | | | | |
|----|---------------|---------------|---|-----|
| 1 | Meuwissen | GWAS | Apport du séquençage / CST / GWAS vs LDLA / multi vs. Uni QTL | + |
| 3 | Ziegler | GWAS | GWAS par un moléculariste | - |
| 6 | Weller | GWAS | Concordance et A poSteriori Grand Daughter design | + |
| 11 | Harris | Sel. Génom. | Sélection génomique : Comparaison méthodes (GBLUP, <u>EN</u> , BayesB, <u>fastBayes</u>) | ++ |
| 25 | Gredler | Sel. Génom. | Sélection génomique : Comparaison méthodes (<u>GBLUP</u> , PLS, BayesB) | ++ |
| 2 | Schoen | Epistasie | Modèle multiQTL en B.C., epistasie (plantes) | + |
| 7 | Zimmer | Epistasie | Modèle multiQTL en F2, epistasie (modèle de régression, approche rapide) | ++ |
| 10 | Wittenburg | Epistasie | Fast BayesB sur modèle avec épistasie, orthogonalisation NOIA des effets | ++ |
| 19 | Ek | Epistasie | Epistasie sur données réelles (2 QTL) | = |
| 23 | Nettleblad | Epistasie | Modèle NOIA | - |
| 9 | Ekine | Anal. Assoc. | Comparaison analyse association (Grammar, <u>MG</u> , Reg) | + |
| 12 | Sahana | Anal. Assoc. | GENMIX = BLOSSOC + effet animal | +++ |
| 14 | Maxa | Anal. Assoc. | Modèle K de Yu et al : analyse association avec effet structure et animal | ++ |
| 4 | Rückert | Méta Anal. | Meta analyse F2 (régression HK) | = |
| 21 | Guldbrandsten | Méta Anal. | <u>Meta analyse</u> ou analyse séparée de deux jeux de données | ≡ |
| 5 | Hadjipavlou | QTL courbes | QTL courbe de croissance : <u>Gompertz</u> ou régression aléatoire ? | + |
| 20 | Suchoki | QTL courbes | Régression <u>aléatoire</u> ou fixée pour recherche de QTL sur données temporelles | ++ |
| 8 | Favier | Phasage | Phasage sur données demi frères | |
| 18 | Ding | Phasage | Phasage sur données demi frères (imputation, EM, rules) | + |
| 26 | Habier | Phasage | Imputation et Phasage sur données pedigree (rules et Gibbs) | +++ |
| 27 | Hickey | Phasage | Phasage sur données pedigree (RLRangePhasingLHI) | ++ |
| 15 | Vereijken | Phasage | Efficacité de l'imputation par BEAGLE =f(LD, nb SNP, MAF) | + |
| 22 | Sorensen | Multitrait | Estimation d'héritabilités et corrélations génomiques (régression aléatoire) | + |
| 24 | Janss | Multitrait | Estimation d'héritabilités et corrélations génomiques (BayesB, MCMC) | + |
| 16 | Mayer | Informativité | Entropie (informativité) et signal QTL en LDLA | +++ |
| 13 | Edwards | Expression | Hybrid network, expression | - |
| 17 | Wimmers | expression | Expression | - |