

# Point cluster 4 avril 2013

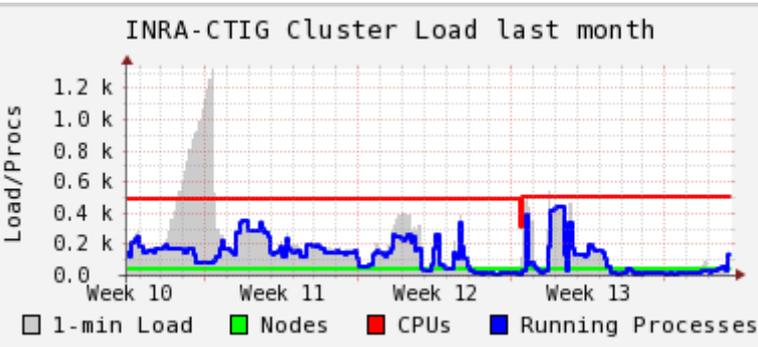
## Modifications effectuées sur la configuration

Transfert des filesystems de SGE vers des disques plus performants afin de diminuer la charge processeur liée aux lectures-écritures lors de la soumission d'un grand nombre de jobs. Modification du nombre de « sync » (option de qsub pour chaîner les jobs) autorisés à un instant t par SGE (passage de 10 à 99).

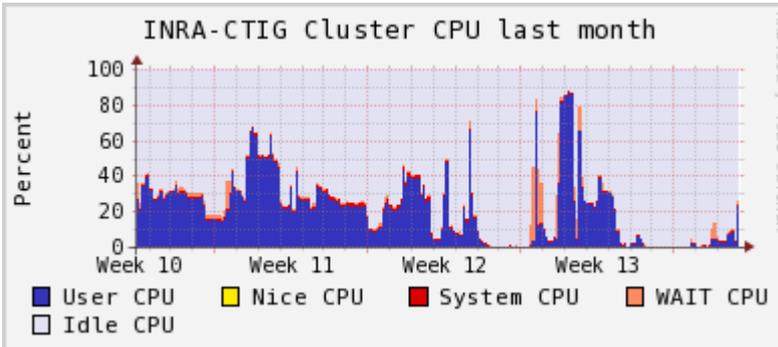
## Projets déclarés au 4 avril 2013 (en gras les nouveaux projets)

- SAM : Groupe de travail de la SAM
- GEMBAL : Evaluation génomique Multi-Races Bovins Allaitants et Laitiers. Responsable Vincent Ducrocq et Florence Phocas
- THESE\_TTR : Simulations afin d'évaluer l'intérêt d'une évaluation génomique chez le porc
- CHICKSEQ : projet du département GA qui concerne l'analyse de données de séquençage de génomes complets de poulets de chair. Responsable : Sandrine Lagarrigue, Olivier Demeure
- Delisus : Projet de Marie Pierre Sanchez.
- Imputation : Projet CTIG, Responsable : Didier Boichard
- Cheval : Analyse des génotypages des projets chevaux, Responsable : Anne Ricard
- Canalisation : Etudes relatives à la modélisation génétique de la variabilité, Responsable : L. Bodin
- Genomcap : Génomique caprine (Rachel Rupp)
- Optimisation : Thèse J.Jacquin, optimisation des méthodes statistiques d'analyse de la variabilité des caractères à l'aide d'informations génomiques
- PFL : projet phénofinlait (Mickael Brochard)
- in fool : ovin lait - indexations morpho ou expérimentales et schémas de sélection (Francis Barillet)
- sasso : cartographie de qtl dans une population du sélectionneur sasso (Olivier Demeure)
- leon : outils collaboratifs pour le nettoyage et la validation des données snp (Pascale Leroy)
- genmascq : Recherche de prédicteurs de la qualité de la viande de porc (Pascale Leroy)
- IPVGENO : Imputation , projet CTIG, responsable D Boichard.
- 1000BG : données issues du séquençage de taureaux, responsable D Boichard**
- **MODGEN : modélisation génétique des caractères, responsable H Gilbert**

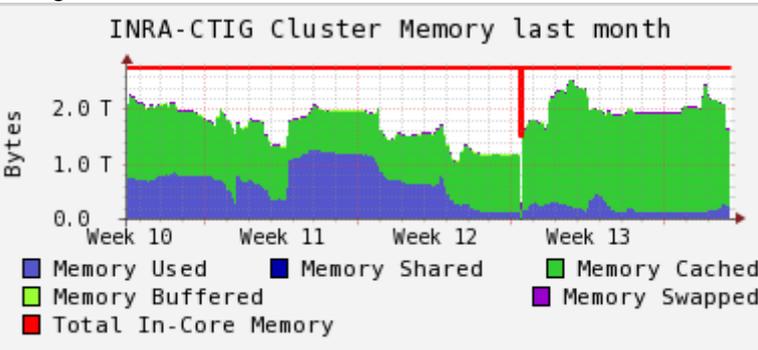
## Utilisation du cluster mars 2013



Charge du cluster



Utilisation des processeurs



Utilisation de la mémoire

On remarque que l'activité du cluster a encore augmenté ce mois-ci, avec des pics d'utilisation allant jusqu'à 90 % d'utilisation de l'ensemble des CPU du cluster. L'utilisation de la mémoire, en revanche, a diminué.

## Utilisateurs actifs

En moyenne il y a eu 11 utilisateurs connectés par jour (10 en février) et 12 utilisateurs différents ont soumis des jobs (15 en février) sur le cluster ce mois-ci. 13327 jobs ont été lancés depuis le 1er mars, soit trois fois plus qu'en février (3844).