

# Tâche 7 : Dissémination

- Objectifs de la tâche :
  - Development of user friendly software (when not available) using the best techniques (as determined in tasks 5 and 6). This software will be an extended release of QTLMAP, a program for linkage analysis of QTL already largely used in our group
  - Shared tools available through the media of the QTLMAP platform
  - Organisation of a short course (about 3 days) aiming at presenting the results of the project and at making the public familiar with the software either already existing or developed from our research
  - Maintaining the high level of interactions between INRA researchers and extension people from the Institut de l'Élevage or UNCEIA, and selection organisations people in other species.

# Tâche 7 : Dissémination(2)

- **Infos Softs**

- **Sources et exécutables GS3** (A.Legarra,A.Ricard,O.Filangi) (VCE, MCMCBlup, Blup, BayesCPi) : <http://snp.toulouse.inra.fr/~alegarra/>
  - Gabayes : Pas de suite mais disponible à la communauté (<http://pluton.toulouse.inra.fr/trac-gabayes>)
  - modification de gs3 en module pour la tâche épistasie (Apports : paramétrage de GS3 via programmation/OpenMP support)

- **QTLMap**

- production sur dga8 (installé sur dga11 également) et QGP (LD et LDLA de A.Legarra/RL Fernando)
- Parallélisation OpenMP (récemment pour le modèle cox), Implémentation en CUDA d'une analyse homoscedastique en test (collaboration avec G.Chapuis, PhD INRIA)

- **LDSO**

- Sources et documentations disponibles en téléchargement depuis QGP(<https://qgp.jouy.inra.fr/>)

- **Supports :**

- Wiki (<http://pluton.toulouse.inra.fr/trac-rules-tools/>), liste de diffusion([outils-qtll@listes.inra.fr](mailto:outils-qtll@listes.inra.fr))
- Espace de stockage/d'échange (100G)
  - /prodanr disponible via dga2/dga8

- **Preparation du cours ?**