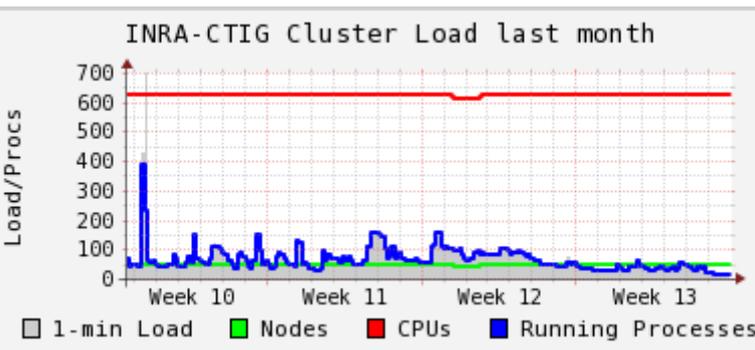


# Point cluster mars 2014

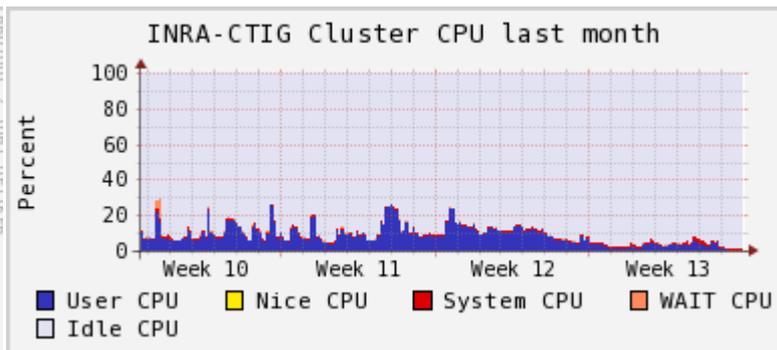
## Projets déclarés au 1 avril 2014 (en gras les nouveaux projets)

- SAM : Groupe de travail de la SAM
- GEMBAL : Evaluation génomique Multi-Races Bovins Allaitants et Laitiers. Responsable Vincent Ducrocq et Florence Phocas
- THESE\_TTR : Simulations afin d'évaluer l'intérêt d'une évaluation génomique chez le porc
- CHICKSEQ : projet du département GA qui concerne l'analyse de données de séquençage de génomes complets de poulets de chair. Responsable : Sandrine Lagarrigue, Olivier Demeure
- Delisus : Projet de Marie Pierre Sanchez.
- Imputation : Projet CTIG, Responsable : Didier Boichard
- Cheval : Analyse des génotypages des projets chevaux, Responsable : Anne Ricard
- Canalisation : Etudes relatives à la modélisation génétique de la variabilité, Responsable : L. Bodin
- Genomcap : Génomique caprine (Rachel Rupp)
- Optimisation : Thèse J.Jacquin, optimisation des méthodes statistiques d'analyse de la variabilité des caractères à l'aide d'informations génomiques
- PFL : projet phénofinlait (Mickael Brochard)
- infol : ovin lait - indexations morpho ou expérimentales et schémas de sélection (Francis Barillet)
- sasso : cartographie de qtl dans une population du sélectionneur sasso (Olivier Demeure)
- leon : outils collaboratifs pour le nettoyage et la validation des données snp (Pascale Leroy)
- genmascq : Recherche de prédictors de la qualité de la viande de porc (Pascale Leroy)
- IPVGENO : Imputation , projet CTIG, responsable D Boichard.
- 1000BG : données issues du séquençage de taureaux, responsable D Boichard
- MODGEN : modélisation génétique des caractères, responsable H Gilbert
- XGEN : évaluations génomiques en croisement, responsable A Legarra
- Parasheep : détection de gènes de résistance au parasitisme, responsable G Salle
- archgensnpbb : architecture génétique du comportement chez la caille et relation avec des caractères du comportement, responsable : J. Recoquillay
- qtlqm : détection de qtls sur les qualités maternelles des vaches allaitantes, responsable F Phocas
- biomiqs : qtl de données omics de qualité du foie gras, responsable C Marie
- opa : obtention des parentés par assignation en ovin et caprin - assignation de parentés par analyse de génotypes snp, responsable C Moreno**

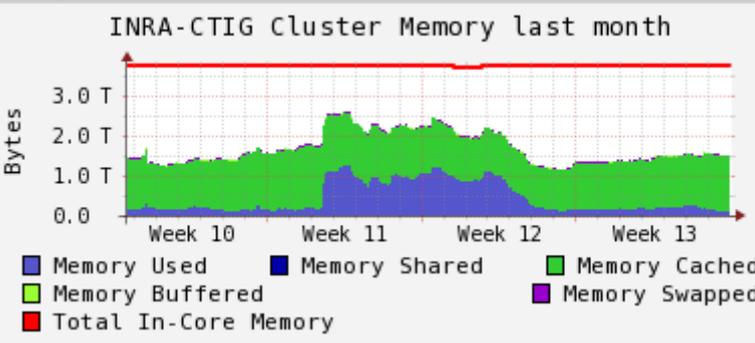
## Utilisation du cluster mars 2014



Charge du cluster



Utilisation des processeurs



Utilisation de la mémoire

Faible utilisation en général. En semaine 11 et 12 la mémoire a été beaucoup utilisée.

## Utilisateurs actifs

En moyenne il y a eu 28 utilisateurs connectés par jour (12 en février) et 18 utilisateurs différents ont soumis des jobs (21 en février) sur le cluster ce mois ci. 1659 jobs ont été lancés depuis le 1er mars (février 2000).