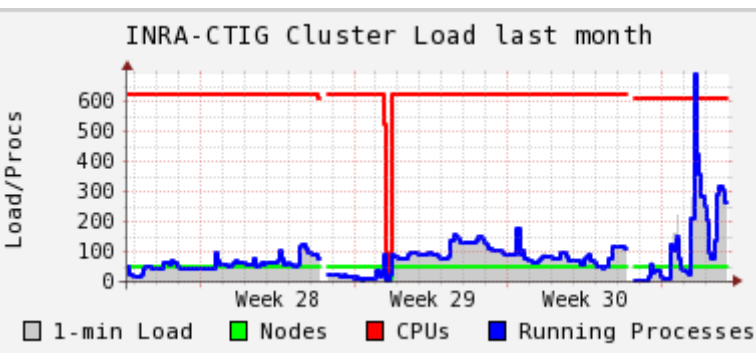


Point cluster juillet 2014

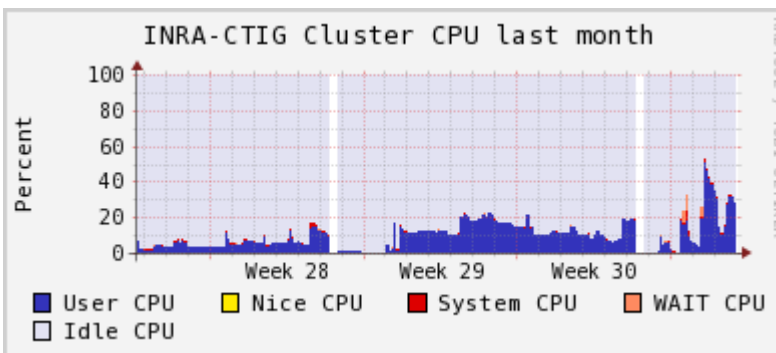
Projets déclarés au 1 aout 2014 (en gras les nouveaux projets)

- SAM : Groupe de travail de la SAM
- GEMBAL : Evaluation génomique Multi-Races Bovins Allaitants et Laitiers. Responsable Vincent Ducrocq et Florence Phocas
- THESE_TTR : Simulations afin d'évaluer l'intérêt d'une évaluation génomique chez le porc
- CHICKSEQ : projet du département GA qui concerne l'analyse de données de séquençage de génomes complets de poulets de chair. Responsable : Sandrine Lagarrigue, Olivier Demeure
- Delisus : Projet de Marie Pierre Sanchez.
- Imputation : Projet CTIG, Responsable : Didier Boichard
- Cheval : Analyse des génotypages des projets chevaux, Responsable : Anne Ricard
- Canalisation : Etudes relatives à la modélisation génétique de la variabilité, Responsable : L. Bodin
- Genomcap : Génomique caprine (Rachel Rupp)
- Optimisation : Thèse J.Jacquin, optimisation des méthodes statistiques d'analyse de la variabilité des caractères à l'aide d'informations génomiques
- PFL : projet phénofinlait (Mickael Brochard)
- infol : ovin lait - indexations morpho ou expérimentales et schémas de sélection (Francis Barillet)
- sasso : cartographie de qtl dans une population du sélectionneur sasso (Olivier Demeure)
- leon : outils collaboratifs pour le nettoyage et la validation des données snp (Pascale Leroy)
- genmascq : Recherche de prédictors de la qualité de la viande de porc (Pascale Leroy)
- IPVGENO : Imputation , projet CTIG, responsable D Boichard.
- 1000BG : données issues du séquençage de taureaux, responsable D Boichard
- MODGEN : modélisation génétique des caractères, responsable H Gilbert
- XGEN : évaluations génomiques en croisement, responsable A Legarra
- Parasheep : détection de gènes de résistance au parasitisme, responsable G Salle
- archgensnpbb : architecture génétique du comportement chez la caille et relation avec des caractères du comportement, responsable : J. Recoquillay
- qtlqm : détection de qtls sur les qualités maternelles des vaches allaitantes, responsable F Phocas
- biomiqs : qtl de données omics de qualité du foie gras, responsable C Marie
- opa : obtention des parentés par assignation en ovin et caprin - assignation de parentés par analyse de génotypes snp, responsable C Moreno
- mut_let_ovin : recherche de mutations letales chez les ovins – responsable C Moreno
- genetech : - responsable Elisabeth le Bihan-Duval**
- epidemi_para : modélisation à l'échelle du troupeau de l'évolution d'une infection parasitaire (mouton, chèvre, poulet) – responsable C Moreno**
- amasgen : Indexation génomique – partie recherche**

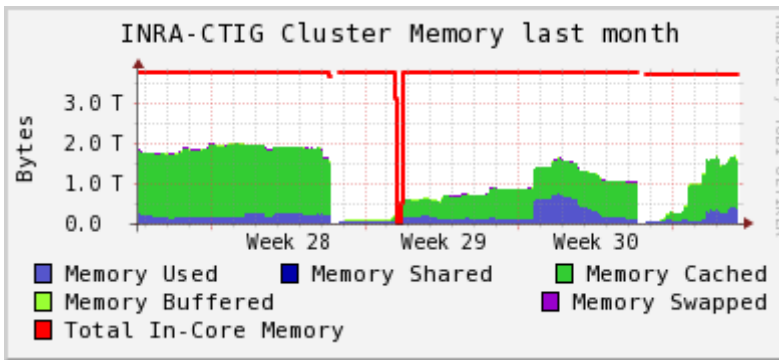
Utilisation du cluster juillet 2014



Charge du cluster



Utilisation des processeurs



Utilisation de la mémoire

Utilisateurs actifs

En moyenne il y a eu 13 utilisateurs connectés par jour (26 en juin) et 20 utilisateurs différents ont soumis des jobs (23 en juin) sur le cluster ce mois-ci. 2643 jobs ont été lancés depuis le 1er juillet (juin 2088).