

## 1.1 MAJ et liste des génotypes

Menu :	Effectif – Génotypes
Pré-requis :	Aucun
Ajouter/Modifier/Supprimer	Avoir les droits Ajouter/Modifier/Supprimer
Consulter	Tous
Dernière MAJ de la doc	29/03/2013
Version de l’IHM	V4.08

Dans cette fenêtre, vous pouvez faire les MAJ des génotypes pour les animaux de votre UE. La seule possibilité pour ajouter des génotypes, c’est de la faire à partir d’un fichier. Ensuite, comme dans les autres modules, vous pouvez les afficher, les enregistrer dans un fichier ou les imprimer.

### 1.1.1 Saisie à partir d’un fichier

Même principe que d’habitude :

- Lire le fichier : cliquer sur “*Lire Fichier*”
- Choisir le Génotype dans la liste proposée
- Choisir l’origine dans la liste proposée
- Choisir le type de calcul dans la liste proposée
- Choisir les identifiants :
  - o Identité complète : Elevage de naissance + identité de naissance
  - o IPG (Numéro sur 11 ou 15 chiffres)
  - o Boucle INRA sur 6 chiffres
- Choisir les colonnes
- Cliquer sur le bouton “*Importer*”

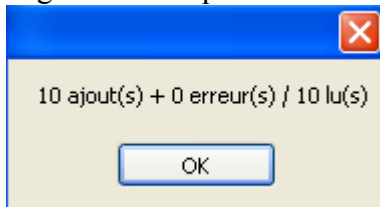
**Contrainte :**

- l'animal doit exister dans la base et être dans votre UE

**Remarque :**

- Si le génotype existe déjà et est le même, rien ne sera fait.
- Si il existe déjà et un des 2 allèles est différent, les anciennes valeurs seront recopiées dans les 2 champs prévus à cet effet et les nouvelles valeurs enregistrées.

Un message vous indique le nombre d'enregistrements ajoutés et en erreurs :



Attention, les erreurs seront affichées à l'écran. Les imprimer pour ne pas les perdre. Elles ne sont pas stockées dans une table d'anomalie.

Un enregistrement est ajouté au journal :

Voir le journal des opérations faites sur le terrain										
Opérations faites entre le :		11/06/2012	et le	14/06/2012	Afficher		Total : 1			
Date	Heure	Opération	Intra Jour	Intég par	Nb Total	Nb Ajouté	Nb Modifié	Nb Erreurs	Nb Alertes	
14/06/2012	14:45:39	Genotype Fichier	1	AGA	10	10	0	0	0	

Exemple de données avec les allèles collés : cocher l'option "Allèle1/Allèle2"

The screenshot shows a software interface with a menu bar (Saisie, Liste et Inventaire) and a sub-menu (A partir d'un fichier, tabPage1). On the left, there is a "Lire Fichier" button and a "Total" indicator showing "30". The main area contains a table with columns: IPG, IGNORER, ALLELES, IGNORER, IGNORER, IGNORER, IGNORER, IGNORER, and IGI. The table has several rows of data, including animal identifiers, n° adn animal, résultats, n° demande, date de prise, and date de valid. Below the table, there are configuration options: "Ne pas lire la 1ère ligne" (checked), "Génotype" (PRP), "Origine" (LDA-TOURAIN), "Type de calcul" (Analyse), "Identité complète (Naisseur + Identité)", "IPG (15c)", "Boucle INRA (6c)", "Allèle1/Allèle2" (checked), and "Allèles séparés". At the bottom, there are panels for "Colonnes obligatoires" (containing "N° IPG (15c)" and "Allèle1/Allèle2"), "Colonnes à choisir" (containing "IGNORER"), "En choisant" (with "Importer" and "Saisir nom option" buttons), and "Colonnes choisies" (containing "N° IPG (15c)", "IGNORER", "Allèle1/Allèle2", "IGNORER", "IGNORER", "IGNORER", "IGNORER", "IGNORER").

## 1.1.2 Liste et inventaire

### 1.1.2.1 Critères de sélection

The screenshot shows the 'Liste et MAJ des génotypes' application window. It has a menu bar with 'Saisie' and 'Liste et Inventaire'. Below the menu bar are tabs: 'Critères de sélection', 'Afficher', 'Choix des colonnes', and 'Inventaire'. The 'Critères de sélection' tab is active, showing various search criteria:

- Elevage de naissance: dropdown and text input
- N° Naissance: dropdown and text input
- Boucle: dropdown and text input
- Millésime: dropdown and text input
- Sexe: dropdown
- Type génétique: dropdown and text input
- Famille: dropdown and text input
- Génération: dropdown and text input
- Lignée: dropdown and text input
- Génotype: dropdown menu (selected: PRP)
- Allèle 1: dropdown and text input
- Allèle 2: dropdown and text input
- Date création: dropdown (selected: égale) and date input (selected: 14/06/2012)
- Date modif: dropdown and date input (selected: 14/06/2012)

A 'Chercher' button is located at the bottom of the search criteria section.

Comme d'habitude, un ou plusieurs critères peuvent être sélectionnés. Cliquer ensuite sur le bouton "Chercher".

### 1.1.2.2 Afficher les données

The screenshot shows the application window with the 'Afficher' tab selected. The search criteria are set to 'Boucle'. A 'Total' box shows 10 results. The table below displays the data:

Boucle	Né le	Sx	Type	Fa	Lignée	Génotype	Allèle1	Allèle2	Origine	Ty ce	Créé le	Par	Allèle1 ancien	Allèle2 ancien	Modifié le	Par
113003	01/07/2010	2	0001			PRP	ARR	ARR	SAGA	A	14/06/2012	AGA				
113004	01/07/2010	2	0001			PRP	ARQ	ARQ	SAGA	A	14/06/2012	AGA				
113007	01/07/2010	2	0001			PRP	VRQ	ARR	SAGA	A	14/06/2012	AGA				
113008	01/07/2010	2	0001			PRP	ARR	ARR	SAGA	A	14/06/2012	AGA				
113009	01/07/2010	1	0001			PRP	ARQ	VRQ	SAGA	A	14/06/2012	AGA				
113010	01/07/2010	2	0001			PRP	ARR	ARR	SAGA	A	14/06/2012	AGA				
113013	01/07/2010	2	0001			PRP	AR	ARQ	SAGA	A	14/06/2012	AGA				
113014	01/07/2010	2	0001			PRP	ARR	VRQ	SAGA	A	14/06/2012	AGA				
113015	01/07/2010	1	0001			PRP	AR	AR	SAGA	A	14/06/2012	AGA				
113016	01/07/2010	2	0001			PRP	ARR	ARR	SAGA	A	14/06/2012	AGA				

Clic droit avec la souris :

- Supprimer (s)
- Voir Animal
- Nb lignes sélectionnées
- Enregistrer sous
- Imprimer

### 1.1.2.3 Choix des colonnes

Critères de sélection | Afficher | **Choix des colonnes** | Inventaire

Colonnes standards  
 Mes choix parmi

Saisir le nom de l'option  
10c

Sauver

Liées à l'animal

- Afficher identité animal
- Afficher IPG
- Sexe
- Type génétique
- Famille
- Lignée
- Génération

Liés aux génotypes

- Origine
- Type de calcul
- Date et personne qui a créé le génotype
- Date et personne qui a modifié le génotype
- Anciens allèles

Afficher

Cocher sur les choix de colonnes, puis cliquer sur le bouton “**Afficher**”.  
Vous pouvez sauvegarder vos choix dans des options.

### 1.1.2.4 Supprimer un ou plusieurs génotypes

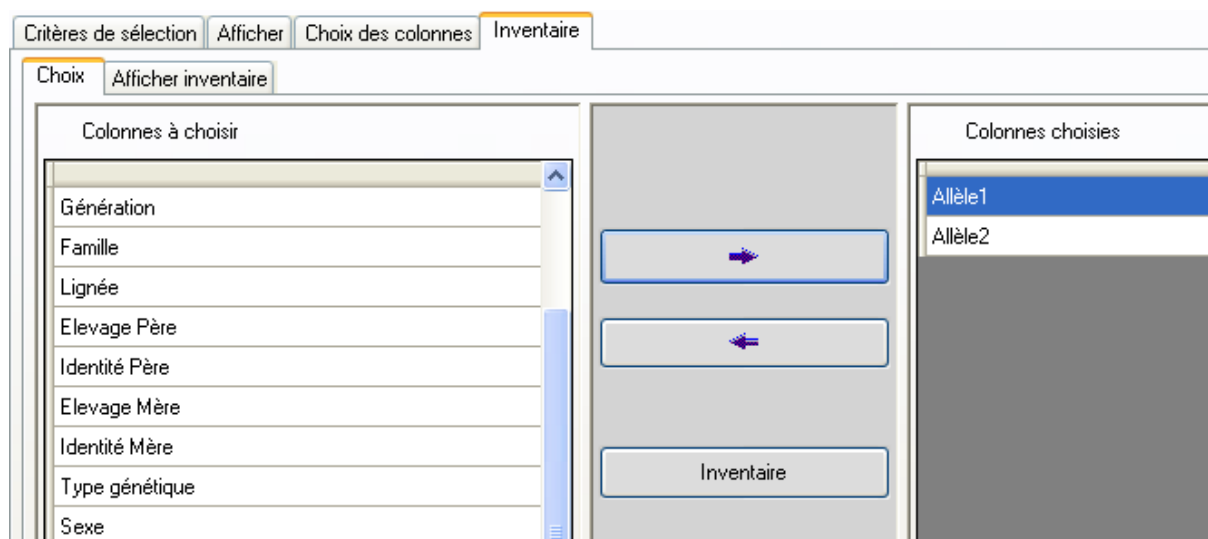
Critères de sélection | Afficher | **Choix des colonnes** | Inventaire

Aller à

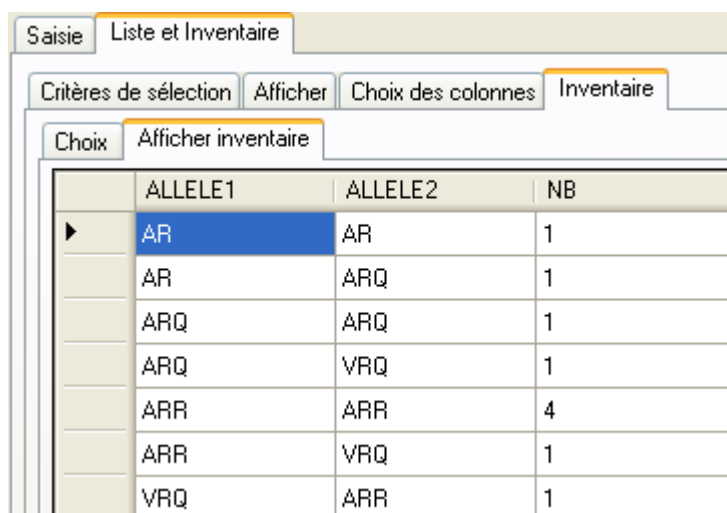
Naisseur	Numéro	Né le	Sx	Type	Génotype	Allèle1	Allèle2	Origine	Ty cé	Créé le	Par	Allèle1 ancien
31313131	113003	01/07/2010	2	0001	PRP	ARR	ARR	SAGA	A	14/06/2012	AGA	
31313131	113004	01/07/2010	2	0001	PRP	ARQ	ARQ	SAGA	A	14/06/2012	AGA	
31313131	113006	01/07/2010	2	0001	PRP	RTE	TTT	SAGA	A	27/02/2013	AGA	
▶ 31313131	113006	01/07/2010	2	0001	MH	RTE	TTT	SAGA	A	27/02/2013	AGA	

Sélectionner un ou plusieurs enregistrements, clic droit avec la souris, puis choisir “**Supprimer(s)**”. Un message vous demande de confirmer la suppression.

### 1.1.2.5 Inventaire



Faites vos choix en utilisant les flèches, cliquer ensuite sur le bouton “*Inventaire*”.



Clic droit avec la souris :

