

## 1 Animal

### 1.1 Comment saisir un animal à l'écran

Cette opération permet de stocker toutes les informations relatives à un animal (nom de l'animal, nom du père, de la mère, sexe, race, .etc.). Il est possible de ne saisir que le nom de l'animal, mais nous vous conseillons de compléter rapidement les autres rubriques essentielles pour la vérification des typages (transmission Mendélienne) et pour les calculs de distances génétiques. Un certain nombre d'informations complémentaires non saisissables provenant d'autres fichiers (liste des alias, liste des enfants et liste des dossiers concernés) sont visualisées.

Pour ajouter, dans menu "Animal", sélectionner "Nouvel Animal".

The screenshot shows a software window titled "ANIMAL" with a light blue background. It contains several sections:

- Top Section:** A title bar "ANIMAL" and a list of "LISTE DES ENFANTS" with a scroll bar. Below it, a "Nombre Descendants" field shows the value "0".
- Left Section:** A form with the following fields:
  - Nom:
  - Mère:
  - Père:
  - Génération:  Origine:
  - Sexe:  Race:
  - N° de bande:
  - Date Naissance:
  - Date Abattage:
  - Gestion du stock d'ADN géré:
- Bottom Left Section:** A section titled "DOSSIERS D'APPARTENANCE" with a scrollable list.
- Bottom Right Section:** A section titled "ALIAS" with a table:

Nom Alias	Alias
- Bottom Section:** A "NOTES" section with a large text area.
- Buttons:** "Annuler" and "OK" buttons at the bottom.

#### Informations à saisir :

- Nom de l'animal : cette information est obligatoire et doit être unique (alphanumérique 20).
- Nom du père : si l'animal n'est pas un F0, saisir le père de l'animal pour pouvoir calculer les ascendants du côté paternel.
- Nom de la Mère : si l'animal n'est pas un F0, saisir la mère de l'animal pour pouvoir calculer les ascendants du côté maternel.
- Génération : cliquer dessus et choisir dans la liste proposée (F0, F1, F2, .etc.)

- Sexe : cliquer dessus et choisir dans la liste proposée ('M' pour Mâle, 'F' pour Femelle)
- Origine : cliquer dessus et choisir dans la liste proposée
- Race : cliquer dessus et choisir dans la liste proposée
- N° de bande : (facultatif)
- Date de naissance : (facultatif)
- Date d'abattage : (facultatif)
- Gestion du stock d'ADN géré : (non utilisé)

Les informations concernant la "Liste des enfants", "Dossiers d'appartenance" et "Alias" seront gérés automatiquement par Gemma.

Ainsi pour l'animal visualisé ci-dessous, on aura :

**ANIMAL**

Nom:

Mère:

Père:

Génération:  Origine:

Sexe:  Race:

N° de bande:

Date Naissance:

Date Abattage:

Gestion du stock d'ADN géré:

**LISTE DES ENFANTS**

Nombre Descendants:

F9110088
F9110094
F9110095
F9110096
F9110097

**DOSSIERS D'APPARTENANCE**

10 QTL F0F1F2previsions
21 QTL F0F1 2ième panel
22 RN sur QTL
27 QTL F0F1 1er panel
28 QTL F0F1 3ième panel
32 RN Timestan
33 QTL ...

**ALIAS**

Nom Alias	Alias
Nom Officiel	17M0091940
QTL	F6
RN QTL CRIMA	904
QTL CM	12
Jeune + an	890768

**NOTES**

Quand on a un grand nombre d'échantillon d'ADN, les informations à saisir peuvent être importées en direct (tables [ANIMAL], [ECH ADN]). Attention cette opération est sous la responsabilité de l'utilisateur car aucun contrôle par Gemma n'est effectuée.

## 1.2 Comment saisir plusieurs animaux en utilisant un fichier

Saisir les animaux dans un fichier Excel. Vous devez saisir un animal et ses informations par ligne. Pour le champ "Courant", vous devez saisir les valeurs booléennes (Vrai ou faux), vous pouvez saisir en minuscule ou en majuscule pour ce champ.

Sauvegarder le fichier en format **texte** (txt séparateur=tabulation).

**IMPORTER DES ANIMAUX**

Fichier

Sauvegarder le fichier Excel sous le format :  
Texte (séparateur=tabulation)

Choisir le Fichier :

Première ligne =  Titre des colonnes  
 Données à intégrer

Choisir les données à importer :

ANIM1 M F FD ANIMAL1 ANIMAL2  
ANIM2 F F FD ANIMAL2 ANIMAL2  
ANIM3 F UK FD ANIMAL1 ANIMAL1  
ANIM4 ? F FD ANIMAL1 ANIMAL2  
ANIM5 F F FD ANIMAL1 ANIMAL2  
ANIM6 M UK FD ANIMAL1 ANIMAL2

Que faire si l'animal existe déjà :

Ne pas compléter  
 Compléter l'info si le champ est vide  
 Remplacer l'info

Il est possible de choisir l'ordre des informations à importer (Nom animal, Père, Mère, .etc.). Utilisez les "PopUp" pour faire votre choix. Le premier PopUp correspond à la première colonne, la deuxième à la seconde et ainsi de suite jusqu'au dernier. Vous pouvez sauter une ou plusieurs colonnes en choisissant "ne pas importer" dans le PopUp. Pour vous aider, les premières lignes de votre fichier sont visualisées. Le sens proposé est "Nom Animal, Nom Père, Nom Mère, Origine, Sexe, Génération, Race, Bande". Les seules informations obligatoires sont "Nom Animal", "Sexe". Gemma propose d'importer autant d'informations qu'il y a de colonnes dans votre fichier. Si vous n'avez que 6 colonnes, Gemma propose 6 PopUp.

Si la première ligne est une ligne de titre, cliquer sur "Titre des colonnes" pour indiquer à Gemma de ne pas traiter cette ligne en tant que données. Si ce n'est pas le cas, cliquer sur "Données à intégrer".

Que choisir sous l'intitulé "Que faire si l'animal existe ?" ?

- Ne pas compléter : si l'animal existe déjà dans la base, il y aura un message d'erreur et aucune information sur cet animal sera mise à jour.
- Compléter l'info : si l'animal existe déjà dans la base, si l'information (sexe, origine, .etc.) est vide, c'est à dire non renseignée dans la base, la nouvelle information lue dans le fichier sera prise en compte, sinon Gemma garde l'ancienne valeur.
- Remplacer l'info : si l'animal existe déjà dans la base, les informations lues dans le fichier sur cet animal vont écraser les anciennes valeurs (attention donc à cette option).

Cliquer sur le bouton "Importer" pour importer les données.

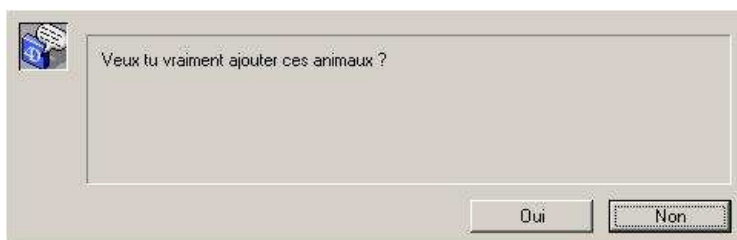
Que fait Gemma ?

- Si l'animal existe, cela dépend du choix expliqué plus haut.
- Si le nom de père est indiqué, il recherche si cet animal fait partie de la base et s'il est de sexe Mâle. Sinon il indique une erreur et cet animal n'est pas ajouté à la base.
- Si le nom de mère est indiqué, il recherche si cet animal fait partie de la base et s'il est de sexe Femelle. Sinon il indique une erreur et cet animal n'est pas ajouté à la base.

Un résumé est affiché : il indique les erreurs et le nombre d'animaux ajoutés à la base.



Vous devez ensuite valider ou non l'import :



Si vous voulez visualiser ce qu'a fait Gemma, demandez la liste des animaux :

Liste des animaux								
7 fiches sélectionnées						16/10/2003		
N° Animal	N° Père	N° Mère	Origine	Sexe	Génér	N° Bande	Race	Nb Desc
ANIM4	ANIMAL1	ANIMAL2	F	?	FD	0		0
ANIM5	ANIMAL1	ANIMAL2	F	F	FD	0		0
ANIM6	ANIMAL1	ANIMAL2	uk	M	FD	0		0
ANIM7	ANIMAL1	ANIMAL2	Uk	?	FD	0		0
ANIM8	ANIMAL1	ANIMAL2	F	F	FD	0		0
ANIM9	ANIMAL1	ANIMAL2	F	M	FD	0		0
ANIM10	ANIMAL1	ANIMAL2	uk	?	FD	0		0

### 1.3 Comment saisir un échantillon d'ADN à l'écran ?

Info relative aux échantillon d'ADN (Quantité, Localisation, N° Boite, Position...)

Un échantillon d'ADN ne peut être créé que si l'animal existe déjà dans Gemma.

Vous devez créer autant d'échantillon d'ADN qu'il existe de tube pour cet animal.

### Echantillon d'ADN

N° Animal <input style="width: 80%;" type="text" value="PORC1"/> No echantillon <input style="width: 80%;" type="text" value="1"/>	N° Boite <input style="width: 80%;" type="text" value="2100"/> Position <input style="width: 80%;" type="text" value="1"/> T (°C) <input style="width: 80%;" type="text" value="4"/> Lieu <input style="width: 80%;" type="text" value="Chambre 4°"/>
Extrait de <input style="width: 80%;" type="text" value="Sang"/> Remarques <input style="width: 95%; height: 40px;" type="text" value="Prise de sang faite au Magneraud le 24/04/2002"/>	Qté ADN (µg) <input style="width: 80%;" type="text" value="100"/> [ADN] (µg/ml) <input style="width: 80%;" type="text" value="100"/> <input type="checkbox"/> Entamé <input checked="" type="checkbox"/> Courant

#### Informations à saisir :

- L'animal doit exister dans la base Gemma. S'il n'existe pas, aller le créer dans le menu "Animal", opération "Nouvel Animal".
- Le n° d'échantillon est initialisé à "1" s'il n'existe pas encore d'échantillon d'ADN pour cet animal.
- N° de la boîte où est stocké le tube de cet échantillon
- Position : saisir la position dans la boîte.
- Température :
- Lieu : cliquer dessus et choisir dans la liste proposée.
- Quantité d'ADN :
- Concentration :
- Entamé : cliquer dessus pour indiquer que vous utilisez cet l'échantillon
- Courant : cliquer dessus pour indiquer que cet échantillon devient l'échantillon courant. Cette information est importante pour créer les plaques PCR car Gemma va chercher **l'échantillon courant** quand vous saisissez un animal.
- Extrait de :
- Remarques :

Comme pour les animaux, les données peuvent être importées en direct.

### 1.4 Comment saisir plusieurs échantillons d'ADN en même temps ?

Saisir les échantillons d'ADN dans un fichier Excel. Vous devez saisir un échantillon d'ADN par ligne. Pour les champs de type booléen ("Courant", "Entamé"), vous devez saisir les valeurs booléennes (Vrai ou Faux), vous pouvez saisir en minuscule ou en majuscule pour ce champ.

Sauvegarder le fichier en format **texte** (txt séparateur=tabulation).

Dans Gemma, Menu ANIMAL - Import de Données - Importer ECH ADN

Il est possible de choisir l'ordre des informations à importer (Nom animal, Père, Mère, .etc.). Utilisez les "PopUp" pour faire votre choix. Le premier PopUp correspond à la première colonne, la deuxième à la seconde et ainsi de suite jusqu'au dernier. Vous pouvez sauter une colonne en choisissant "ne pas importer" dans le PopUp. Pour vous aider, les premières lignes de votre fichier sont visualisées. Le sens proposé est "Nom Animal, N° Ech, Boîte, Position". Les seules informations obligatoires sont "Nom Animal". Gemma propose d'importer autant d'informations qu'il y a de colonnes dans votre fichier. Si vous n'avez que 6 colonnes, Gemma propose 6 PopUp.

Si la première ligne est une ligne de titre, cliquer sur "Titre des colonnes" pour indiquer à Gemma de ne pas traiter cette ligne en tant que données. Si ce n'est pas le cas, cliquer sur "Données à intégrer".

**IMPORTER DES ECHANTILLONS ADN**

Fichier

Sauvegarder le fichier Excel sous le format :  
Texte (séparateur=tabulation)

Choisir le Fichier:

Première ligne =  Titre des colonnes  
 Données à intégrer

Choisir les données à importer :

Nom Animal	No Ech	Boîte	Position	Ne pas importe	Courant	Quantité	Localisation	Organe	Remarque
------------	--------	-------	----------	----------------	---------	----------	--------------	--------	----------

ANIM1 1 B21 1 240 VRAI 100 Chambre4D Joue Essai sur Ech ADN  
ANIM2 1 B21 4 21 VRAI 100 Chambre34C Joue Voir la localisation  
ANIM3 1 B21 8 200 FAUX 80 Chambre4D Joue Rien  
ANIM4 1 B21 18 160 FAUX 100 Chambre4D Joue  
ANIM5 1 B21 14 100 FAUX 120 Chambre4D Joue  
ANIM6 1 B21 11 80 VRAI 100 Chambre4D Joue

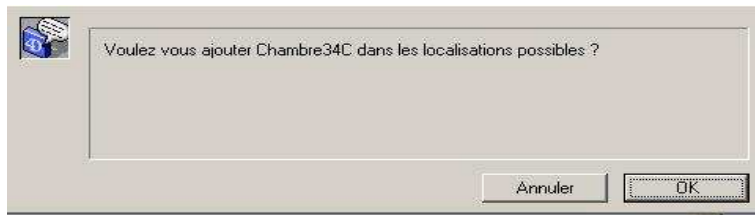
Que faire si l'échantillon existe ?

Ne pas compléter  
 Compléter l'info

Cliquer sur le bouton "Importer" pour importer les données.

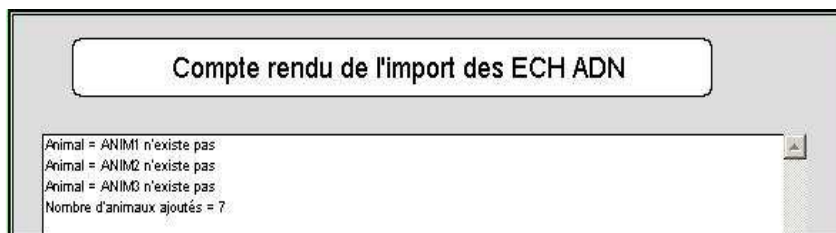
Que fait Gemma ?

- Si l'animal n'existe pas dans la base, il sera marqué en erreur et non ajouté.
- Si le n° d'échantillon est indiqué, il ne doit pas déjà exister. Sinon une erreur est indiquée et l'échantillon n'est pas ajouté.
- Si le n° d'échantillon n'est pas indiqué, Gemma génère lui-même le numéro (dernier numéro+1).
- Si la boîte et la position sont indiquées, Gemma contrôle qu'il n'y a pas un autre échantillon dans cette boîte et à cette position. Sinon une erreur est indiquée et l'échantillon n'est pas ajouté.
- Pour les informations "Localisation" et "Organe", si la valeur indiquée ne fait pas partie des valeurs possibles (Enumérations), Gemma propose de l'ajouter.

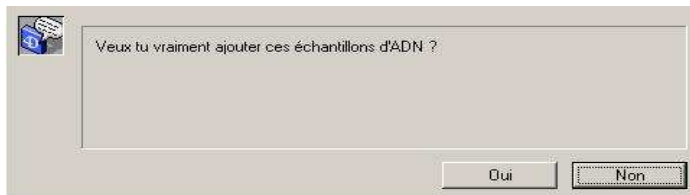


- Si l'organe n'est pas indiqué, Gemma l'initialise à "Sang".
- Gemma gère automatiquement la gestion des stocks, il ajoute la valeur quantité au niveau de la table [STOCK ADN]. Il indique ensuite que la gestion se fait automatiquement en mettant le booléen "Gestion ADN" à "Vrai" dans la table [ANIMAL].

Un résumé est affiché : il indique les erreurs et le nombre d'échantillons ajoutés à la base.



Vous devez ensuite valider ou l'import :



Si vous voulez visualiser ce qu'a fait Gemma, demandez la liste des échantillons d'ADN :

Liste d'échantillons d'ADN								
7 fiches sélectionnées						16/10/2003		
N°_Animal	Boite	Pos.	ADN µg	[ADN] µg/ml	LOCALISATION	N° ech	Entamé	Courant
ANIM4	B21	18	100	0	Chambre40	1	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>
ANIM5	B21	14	120	0	Chambre40	1	<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>
ANIM6	B21	11	100	0	Chambre40	1	<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>
ANIM7	B21	10	80	0	Chambre34C	1	<input checked="" type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>
ANIM8	B21	5	100	0	Chambre40	1	<input checked="" type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>
ANIM9	B21	2	80	0	Chambre40	1	<input checked="" type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>
ANIM10	B21	9	100	0	Chambre40	1	<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>